

ポスター番号	名前	所属	タイトル	研究分野
1	赤尾 マルフ	名古屋大学理学研究科	数理解析による健康マウスにおける骨量減少メカニズムの解明および治療介入方法の探索	数理生物
2	磯田 一郎	慶應義塾大学	生殖補助医療に向けたヒト胚明視野顕微鏡画像セグメンテーション	画像解析, 機械学習
3	犬塚 健剛	広島大学	「ひらめき」の定量的解読法開発に向けて	数理生物学
4	井上 敬一	九州大学医学研究院	マイトファジーレポーターマウスの開発	細胞生理学
5	井上 雅世	九州工業大学	AIは「いかに」Hermann 格子錯視をみるのか	理論生物物理学
6	江田 篤志	群馬大学大学院	光遺伝学的应用に向けた高運動的プロジェクションシステムの構築	工学
7	大関 彩貴	慶應義塾大学	染色体倍加細胞のトラッキングによる大規模系譜解析	システム生物学
8	荻田 豪士	理研BDR	データ同化による上皮組織の力推定:人工データによる検証	メカノバイオロジー、統計データ解析
9	奥田 萌莉	兵庫県立大学	AI×植物:植物の専門家的判断の自動化	画像認識
10	尾鶴 亮	福岡大学	環境と宿主を移行する病原細菌の代謝変化の定量と可視化	微生物学 (細菌学)
11	片山 康矢	東京大学 理学系研究科 物理学専攻	グラフによる生態系の定常分布と応答の表現	生態系ネットワーク
12	金澤 帝知	慶應義塾大学	マウス胚の出生予測のための4次元ラベルフリー顕微鏡画像セグメンテーション手法の開発	システム生物学
13	木村 美紗子	脳情報通信融合研究センター	ヒトがひらめくまでの時間の深層学習と力学系モデルを用いた再現	システム生物学
14	清田 彩香	立命館大学院	MDシミュレーションを用いた脂質二重膜の断熱性解析	情報生物学
15	小池 二元	広島大学統合生命科学研究所	脳コネクトームの配線原理を理解するデータ駆動型解析	データ駆動生物学
16	小泉 咲綾	総合研究大学院大学	線虫C. elegans 胚発生に伴う細胞質弾性変化の定量解析	生物物理学
17	近藤 洋平	名古屋大学	力学系と深層表現学習によるライブイメージングデータの画像レベルモデリング	力学系モデリング・画像データを利用した逆問題
18	志久 開人	九州大学システム情報科学府	患者単位の診断記録を用いた機械学習	machine learning
19	杉原 圭	九州大学	ヒト好中球分葉核形成の数理モデル	発生生物学・数理生物学
20	鈴木 涼月	名古屋市立大学大学院理学研究科	電気ショックに対する線虫の持続的全脳活動の可視化	神経生物学
21	曾谷 祐太	電気通信大学	数理モデルに研究により見出された筋収縮誘発性タンパク質合成をより効率的に促進する経路間クロストークの寄与	運動生理
22	田川 晴奈	奈良先端科学技術大学院大学	グリオーマ細胞の突起伸長と接着を伴う移動の数理モデリング	計算生物学
23	竹崎 隼平	九州大学	重症度を持つ医用画像に対する機械学習	機械学習
24	武田 諒	広島大学 統合生命研究科	テントウムシにおける斑紋種内多型形成メカニズムの予測	数理生物学/発生生物学
25	田原 聖士	九州大学	生成モデルによる細胞検出	機械学習
26	千葉 元太	東京大学	遺伝子間の発現量比保存関係を通した一遺伝子振動効果の波及	システム生物学
27	辻川 幸一郎	名古屋大学大学院医学系研究科	脳室内圧はどのように成立するのか?	発生学
28	中村 乙水	長崎大学	行動的体温調節中の魚類の体内での熱の移動の推定	行動生理学
29	永山 龍那	東京大学理学系研究科物理学専攻	反拡散系における最適輸送と熱力学的速度限界	非平衡熱力学
30	東野 伊織	広島大学大学院統合生命科学研究所	データ駆動的アプローチによる楽観・悲観バイアスの情報処理過程の解読	計算論的神経科学
31	菱田 温規	京都大学理学研究科	代謝力学モデルを用いた細胞の低温ストレス応答解析	理論生物学
32	HWANG BEOMJU	九州大学大学院システム生命科学府	シグナル伝達経路の臓器特異的な制御におけるAkt アイソフォームの意義の定量的解明	シグナル生物学
33	本田 玄	東京大学	ホスホリバーゼが制御する膜上の遅い拡散とシグナル伝達	細胞運動、膜ダイナミクス
34	松尾 光治良	京都大学大学院 生命科学研究所	機械学習と高解像度イメージングで挑むCO2濃縮装置ビレノイドのダイナミクス	オルガネラ、相分離、水圏光合成
35	三藤 彩花	慶應義塾大学	精子形成メカニズムの理解に向けたマウス精巣マルチモーダルデータ解析	システム生物学、機械学習
36	森下 宗	九州大学生体防御医学研究所	肥満マウス肝臓におけるインスリンシグナル減弱の量的解析	システム生物学
37	山田のぞみ	九州大学芸術工学府	キャンボールジェリーフィッシュの遊泳リズムの同期現象	時間生物学
38	伊藤 冬馬	総合研究大学院大学 / 広大統合生命	シグナル伝達系における時間符号化の進化原理	理論生物
39	浅井 理恵子	国際先端医学研究機構	Initiation of laterality by bilateral cellular flows in gastrulation	発生生物学
40	岩波 翔也	名古屋大学大学院理学研究科	数理モデルを用いた単一造血幹細胞クローン分化動態の解析	数理生物学
41	梶田 真司	福井大学学術研究院工学系部門	ATP濃度依存的な確率的輸送が生み出す二次元パターン形成	数理生物学、理論生物物理学、システム生物学
42	梶 穂高	九州大学芸術工学府	概リズムの正弦波制御はノイズを小さくする	時間生物学
43	高坂 仁	立命館大学大学院 生命科学研究所	格子配置型の弾性ネットワークによるタンパク質粗視化モデルの提案	生物物理学・AI
44	佐野 浩子	久留米大学分子生命科学研究所	ライブイメージングとデータ駆動型数理モデルによるグルコース応答における情報処理機構の解析	遺伝学、代謝内分分泌学
45	鈴木 警保	東大・新領域	表現型組み合わせ進化における新規遺伝子制御機構の共進化	進化システム生物学
46	中谷 諒	沖縄科学技術大学院大学	Mechanisms for synapse driven depolarization of perisynaptic astrocytic processes	計算機神経科学
47	野下 浩司	九州大学	「かたち」のフェノーム解析	形態測定学
48	比企 佑介	慶應義塾大学理工学研究所	in vivo データに対する低精度を克服する動的な遺伝子制御ネットワーク推定アルゴリズムの開発	時系列データ解析、遺伝子制御ネットワーク、深層学習
49	藤井 健	九州大学生体防御医学研究所	一細胞マルチエビゲノム解析による転写制御機構の解明	一細胞解析
50	森倉 峻	慶應義塾大学大学院 理工学研究所	ラベルフリー多重顕微イメージングの構築に向けたImage-to-Image Wasserstein Schrödinger Bridge の開発	深層学習、メカノバイオロジー、生体医工学
51	安武 達益	東京大学	深層状態空間モデルによるDNA配列の表現学習とメタゲノム解析への応用	生物情報学
52	山田 悠介	九州大学芸術工学府	ネガティブフィードバックループの非緩和性	時間生物学、数理