

ポスター番号	名前	所属	発表タイトル	研究分野
1	足立 直人	福井大学 耳鼻咽喉科・頭頸部外科	好酸球性副鼻腔炎の鼻腔内における真菌と細菌の相互作用	バイオイノフォマティクス
2	安部 稜士	東京科学大学 生命理工学院 生命理工学系 地球生命コース	区画の成長および分裂が自己触媒系の濃度分布に与える影響	生物物理学、理論生物学、生命の起源
3	荒木 優香	広島大学大学院統合生命科学研究科	LRETを用いたTIA-1分子内・分子間相互作用の解析と分子動力学シミュレーションによるドロップレット形成メカニズムの解明	現象数理学
4	市川 杜彦	金沢大学	ナノ内視鏡AFMを用いた生きた細胞内の核の硬さへの上皮間葉転換による影響の測定	バイオAFM
5	犬塚 健剛	広島大学/名古屋大学	「ひらめき」のデータ駆動的な解釈	計算論的神経科学、認知神経科学、数理生物学
6	井上 雅世	九州工業大学	方位選択性を備えた深層ニューラルネットワークモデルによるハーマン格子錯視パリエーション画像の解析	理論生物学
7	岩田 康希	福井大学大学院	3Dデジタルツインマーマモセットに向けた環境開発	デジタルツイン
8	荻田 豪士	理研BDR	タイムラプス動画をもとにした上皮組織の力推定	生物物理学
9	奥田 萌莉	兵庫県立大学	深層学習による植物画像の専門家的知見を用いた特徴表現の拡張	コンピュータビジョン
10	奥田 宗太	順天堂大学大学院 医学研究科 生化学・生体システム医科学 講座	オルガノイドの自己組織化能を活用した、自律的に次世代を形成する合成多細胞生命体の開発	合成生物学
11	奥村 祐太朗	名古屋市立大学大学院理学研究科	深層学習を用いたシロイヌナズナの簡易定量手法の開発	植物生理学
12	長田 昂	広島大学大学院	3D数理モデルを用いて ゼニゴケ初期胚の分裂規則を定量的に解明する	理論植物発生学
13	柿原 礼佳	新潟大・医歯学・システム生化	マウス初期発生過程におけるシングル胚の新生プロテオームと形態定量情報の統合解析を目指す	発生生物学
14	梶田 真司	福井大学 学術研究院工学系部門 生物応用化学講座	アクティブな熱力学的力が駆動するミトコンドリアの整列	生物物理学、数理生物学
15	梶谷 卓也	奈良県立医科大学	エビゲノムの堅牢性と可塑性の観点からのシングルセル生物学	転写・クロマチン・エビゲノム・シングルセル生物学
16	加藤 祐介	東大新領域 郡研	重心運動の計測データに基づく、細胞性粘菌の確率的運動モデルのベイズ選択	非線形力学系、数理モデリング、データ解析
17	加藤 充喜	福井大学工学部物質・生命化学科	タンパク質言語モデルを用いた SARS-CoV-2スパイクタンパク質のベクトル表現解析	バイオイノフォマティクス
18	加藤 雅己	東京大学定量生物学研究室	幾何制約のある集団ゲームと学習ダイナミクス	計算論的生物学
19	神田 翔仁	福井大学工学部物質・生命化学科	軸索内ATP濃度勾配に対する小胞の局在性解析	神経科学
20	木村 美紗子	NICT /兵庫県立大学	深層学習と力学系モデルを用いたヒトのひらめき過程の再現	システム生物学
21	木村 陸希	群馬大学大学院情報学研究科	深層学習による物体検出を用いた高速リアルタイム線虫トラッキングシステムの開発	情報学
22	小池 二元	広島大学統合生命科学研究科	データ駆動型アプローチによる脳コネクトーム配線原理の解明	生命情報学
23	高坂 仁	立命館大学 生命科学研究科	心拍時系列情報に基づく自閉スペクトラム症スクリーニング補助AIの開発	生物物理学 AI
24	後藤 亜弥	福井大学大学院工学研究科産業創成工学専攻	大腸がん腫瘍組織におけるシングルセルデータ解析	腫瘍免疫学
25	後藤 あゆみ	理化学研究所 生命機能科学研究センター	時計遺伝子Hes7の周期的発現の同期メカニズムに対する定量的アプローチ	発生生物学
26	佐藤 駿太郎	電気通信大学	筋収縮後のリン酸化プロテオームとトランスクリプトームの間に線形関係は存在するのか？	運動生理学
27	杉江 恵輔	東京大学大学院情報理工学系研究科数理情報学専攻	化学反応ネットワークにおける緩和ダイナミクスの定量化：凸解析によるアプローチ	数理生物学
28	鈴木 誉保	順天堂大学 大学院医学研究科	形質のマクロ進化におけるポテンシャル地形とその遷移を定量する	進化、複雑系
29	鈴木 涼月	名古屋市立大学大学院理学研究科	線虫 C. elegansにおける感覚情報を維持する神経回路システム	神経科学（機能）
30	曾谷 祐太	電気通信大学	筋収縮誘発性PGC-1 α mRNA転写活性制御の数理モデル開発	運動生理学
31	高木 友陽	東京大学大学院情報理工学系研究科システム情報学専攻	微細構造における細胞集団のフランク弾性定数の定量化法	active nematics
32	中屋 直哉	東京科学大学 生命理工学院 生命理工学系 生命理工学コース	非平衡過程によるタンパク質複合体アセンブリ効率化機構の理論的解明	理論生物物理学
33	西川 星也	京都大学	MAR推定とシミュレーションをGANで接続して組織の力を調べる	数理生物学
34	野下 浩司	九州大学	ktch: モデルベース形態測定学向けPythonパッケージ	形態測定学
35	東野 伊織	広島大学	データ駆動的アプローチによる楽観・悲観バイアスの情報処理過程の解釈	神経科学・意思決定
36	深澤 有吾	福井大学学術研究院・医学系研究科・脳形態機能学分野	定量的超微細構造情報に基づく興奮性シナプス結合の構築則の解明	神経解剖学・神経生理学
37	藤田 松義	東京大学 理科二類	【研究提案】マウス初期胚の核位置の時系列データ解析；核の動き方の力学的モデルを用いて何がわかるのだろうか？	発生生物学、形態学
38	藤原 郁子	長岡技術科学大学 物質生物系	Spiroplasma由来MreBを発現したsyn3B破砕液の封入りボソーム形状変化	細胞骨格 (アクチン・MreB)
39	藤原 基洋	理研BDR、JT生命誌	クモの胚発生から節足動物の体軸形成の発生・進化過程を探る	発生生物学

40	北條 拓也	東大院理学系研究科/理研BDR	分裂酵母 <i>Schizosaccharomyces pombe</i> の非対称な交配相手認識精度の進化的形成を探索	群集生態学、進化生物学、理論生物学
41	堀口 修平	金沢大学ナノ生命科学研究所	組織成長の力学で迫る内耳形態形成の進化	理論生物学
42	松山 裕典	富山県立大学 情報工学部	線虫 <i>C. elegans</i> の神経系から探る自発神経活動のダイナミクスと機能	システム神経科学, 行動生物学, 非線形物理
43	丸茂 優介	千葉大学	似て非なる物体間の特徴点マッチング	コンピュータビジョン
44	光元 亨汰	東大総合文化	触媒反応ネットワーク模型の動的平均場理論	統計物理
45	宮廻 裕樹	東京大学大学院情報理工学系研究科	ネマチック液晶モデルの数理と細胞配向秩序性の定量化への応用	アクティブ・ネマティクス, 組織工学
46	宮田 真衣	福井大学 学術研究院工学系部門 生物応用化学講座	細胞内共生細菌が引き起こす性比異常が宿主昆虫に与える進化・生態学的影响	進化生物学
47	八城 歩登	北海道大学・理	環境適応における種子形態の収斂進化とその遺伝的基盤の解明	植物生理学
48	安武 達益	東京大学大学院情報理工学系研究科	嗅覚受容体応答の普遍的性質は最適性原理に由来するか	数理生物学
49	山口 紗奈	立命館大学	コラーゲン繊維の直線化ががん細胞移動に与える影響のモデル研究	数理生物学
50	山田 圭胡	福井大学院工学研究科産業創成工学専攻	チューブリンのチロシン化/脱チロシン化が軸索樹状突起の形態制御に果たす役割の解析	神経化学
51	山登 一輝	宇都宮大学 工学部	マルチデコーダー型ネットワークを使用したMR画像の超解像に関する研究	画像処理
52	吉川 友也	千葉工業大学 人工知能・ソフトウェア技術研究センター	説明可能AIの進展と生物学への展開	人工知能、機械学習、コンピュータビジョン
53	吉村 雷輝	名古屋大学大学院理学研究科	急性肝障害の病態を反映したバイオマーカーの開発	データサイエンス、医療統計
54	劉 楚傑	大阪大学理学研究科生物科学専攻 蛋白質研究所物理生物学研究室（鈴木団研）	1型リアノジン受容体の温度感受性	生物物理
55	畠山 哲央	東京科学大学地球生命研究所	TBA	生物物理学