

ポスター番号、発表者、演題

P-1	下條	博美	マウス発生過程におけるNotchリガンドDll1の発現ダイナミクスの意義
P-2	岩見	真吾	数理モデルによる抗ウイルス薬の薬効評価系の確立
P-3	徳永	旭将	4Dカルシウムイオンデータからの神経活動度の自動定量化法の開発
P-4	梅津	大輝	一細胞レベルでの細胞動態の解析から増殖する上皮組織で細胞の混ざり合いを防ぐメカニズムを明らかにする
P-5	柴田	達夫	Stochastic signaling process, cell polarity, and directional sensing for chemotaxis of eukaryotic cell
P-6	落合	博	マウス胚性幹細胞におけるNanogプロモーターの確率的活性化が発現量の不均一性に影響する
P-7	木村	啓志	単一細胞スケールでの液性刺激を実現するマイクロ流体プローブ集積型デバイス
P-8	梶田	真司	化学反応系の非線形応答特性に基づく反応特異性のモデル：T細胞の抗原識別を例にして
P-9	広瀬	修	蛍光顕微鏡により観測された多数の細胞を自動追跡するためのベイズ統計的方法論の開発
P-10	前原	一満	クロマチンの機能的エレメントとして働くヌクレオソーム配置パターンの探索
P-11	木村	暁	細胞分裂の力学モデルの構築(をめぐって)
P-12	中嶋	正人	概日時計における安定性の分子メカニズムを理解する
P-13	山田	貴大	ネムリユスリカのトランスクリプトーム解析を通じたGRN構築
P-14	水野	大介	フィードバックマイクロレオロジーを用いた細胞力学の研究
P-15	三村	喬生	自閉症モデル霊長類を用いた思春期の自己制御性試験
P-16	加川	友己	腸オルガノイド形態形成数理モデルの構築
P-17	多田	昌平	微小管の動態変化が導く体細胞分裂安定化の数理モデル解析
P-18	小杉	孝嗣	転写ネットワーク変化を網羅的に同定するシーケンス技術の開発
P-19	池淵	良洋	シングルセルPCRアレイによる「動く」免疫細胞の機能と移動機構の解明
P-20	寺前	順之介	神経システムにおける「むだ」と「あそび」の数理:構造と活動の二重性
P-21	東	裕介	画像処理による線虫 <i>C. elegans</i> 胚発生画像の統合解析
P-22	立石	和博	気管上皮多繊維毛における規則性の定量的解析
P-23	西澤	賢治	高分子混み合いが引き起こす細胞内部のガラス的挙動
P-24	松崎	芙美子	ヒト全代謝酵素の絶対定量と代謝システム解析
P-25	横田	亮	ノイズな検知システムによる位相検出機構
P-26	大川	恭行	骨格筋分化における空間クロマチン制御へのアプローチ
P-27	内田	誠一	ハイオイメージ・インフォマティクスに関する「協働」研究の状況報告
P-28	二階堂	愛	細胞間の遺伝子発現ゆらぎはどこからくるのか?
P-29	戎家	美紀	発生に重要な分泌因子の空間パターンを作る
P-30	鈴木	芳代	線虫の筋運動に対する放射線影響の解析
P-31	備瀬	竜馬	テキスト解析によるIPS細胞未分化・脱未分化領域の認識
P-32	奥村	史朗	小型SPRシステムにおけるリガンドの固定化方法
P-33	平島	剛志	組織のサイズ維持機構の解明に向けて一ホールマウント定量解析法を中心に紹介
P-34	上村	淳	触媒反応ネットワークにおける資源枯渇・競争と多様化
P-35	近藤	洋平	細胞集団運動の理解に向けたデータ同化アプローチ
P-36	反田	直之	植物における栄養輸送体の栄養環境応答のモデルと顕微鏡画像定量によるパラメータ推定
P-37	伊藤	浩史	ケンサキイカ色素胞の収縮リズムと温度
P-38	土屋	貴穂	データドリブンモデルから解明するPC12細胞の神経分化誘導における細胞内シグナル伝達のコーデイングメカニズム
P-39	村野	享正	ヒト結腸陰窩細胞動態の三次元数理モデル
P-40	畠山	哲央	とてもシンプルな代謝モデルとそのダイナミクス
P-41	河村	優美	転写伸長過程の数理モデルとベイズ統計に基づく逆問題解法
P-42	丹羽	康貴	昼間の眠気はなぜ生じるのか?
P-43	井上	雅世	タンパク質量バランス制御機構解明に向けた個別タンパク質量制御ルールの分類
P-44	高木	拓明	細胞の自発的運動に見られる種間共通性と差異
P-45	前田	和勲	大腸菌アンモニア同化システムのダイナミックモデル構築
P-46	谷口	大相	繊毛配置の自己組織化と細胞骨格系のダイナミクス
P-47	広井	賀子	細胞内温度変化は高次の生命現象に影響しうるか
P-48	島本	貴文	細胞外電場が神経細胞の非線形電位応答に及ぼす影響のシミュレーション解析
P-49	井上	健太郎	NF- κ Bシグナル伝達経路のモデリング
P-50	橋本	幹弘	Discrepancies between single-cell and population revealed by dynamics cytometer
P-51	千田	優子	細胞性粘菌のF-アクチン波の接着依存性
P-52	村田	隆	2光子スピニングディスク顕微鏡の広視野化と植物紡錘体の4Dイメージングへの適用
P-53	国田	勝行	マイクロ流体デバイス刺激実験系を用いた筋芽細胞C2C12のインスリンシグナルのライブイメージング計測
P-54	福神	史仁	細胞性粘菌のcAMPリレー応答とF-アクチンの関係とその役割
P-55	昌子	浩登	肝小葉内の類洞と毛細胆管の形態形成数理モデル
P-56	富樫	祐一	DNA-タンパク複合体の構造ダイナミクスと機能
P-57	松村	繁	Caveolin1による細胞分裂軸制御機構
P-58	豊島	有	3次元的に密集した細胞核の高精度な自動認識手法
P-59	栗原	喬	遊走微生物が生み出す非平衡揺らぎの統計分布
P-60	藤森	俊彦	固定組織の連続切片からの3次元再構築
P-61	石原	悟	SEVENS法：closedクロマチンとopenクロマチンを生化学的に分離画する新たな方法
P-62	小林	徹也	バイオリネージュ インフォマティクスとその応用
P-63	儀保	伸吾	差分法・超離散法による生物リズムの数理モデル
P-64	田邊	賢司	Image-based drug profiling reveals a dual inhibitor of EGF receptor tyrosine kinase and microtubules
P-65	吉田	亮	ライフサイエンス分野におけるベイズ統計の進展と応用

P-66	香曾我部	隆裕	パターン形成力学系に基づく進化-発生対応
P-67	沖	真弥	誰でも使えるChIP-seqデータの可視化ツール
P-68	戸田	聡	次世代シーケンスを用いた新規食シグナル因子の同定
P-69	宇壽山	衛	<i>C. elegans</i> の単一神経細胞を対象とした匂い刺激応答のコンピュータシミュレーション
P-70	井川	敬介	組織形態形成において外力が駆動する細胞配置換えの分子機構の解析
P-71	齋藤	卓	ゼブラフィッシュの胚発生における確率的細胞周期進行波の観察と定量解析
P-72	増子	大輔	精子の形の定量解析
P-73	塚田	祐基	線虫 <i>C. elegans</i> の温度走性をモデルとした感覚神経細胞のシステム同定
P-74	斉藤	稔	化学反応における少数性効果の数理的解析
P-75	梶島	秀一	<i>pgi</i> 遺伝子振動に対する大腸菌の代謝変動の時系列定量代謝フラックス解析
P-76	菅原	武志	分裂酵母間期クロマチンダイナミクスの定量的解析
P-77	小西	剛嗣	細胞の粒子ベース物理モデルを用いた上皮組織のシミュレーション
P-78	平岩	巧	神経幹細胞培養における流れの影響の定量化
P-79	藤森	大平	細胞性粘菌の集団的な細胞運動における仮足と極性の動態解析
P-80	小沼	卓也	線虫の神経回路におけるシナプス極性の推定
P-81	小熊	俊輝	Delta-Notchの相互作用と血管新生
P-82	大森	敏明	神経細胞における非線形ダイナミクスのスパース推定
P-83	合原	一究	カエルの行動可視化プロジェクト
P-84	中島	昭彦	細胞の走化性応答における時間空間情報の統合
P-85	新井	由之	吸収増幅顕微鏡による無染色細胞イメージング
P-86	石原	秀至	シグナル応答における時間的処理と空間的処理の数理モデル
P-87	舟橋	啓	生化学ネットワーク解析環境CellDesignerの設計と実装
P-88	粟津	暁紀	遺伝子発現の揺動応答関係と核内染色体動態のモデル
P-89	堀江	恭二	ES細胞における1細胞レベルでの遺伝子発現解析
P-90	間木	重行	ヘレグリン依存的なPHLDA1の発現はErbBシグナルを真に制御する
P-91	寺口	俊介	1分子イメージングからのトラッキングに依らない膜タンパク拡散係数の推定について
P-92	鈴木	翔太	iPS細胞から標的細胞への分化誘導を行う人工RNA回路の数理モデル構築
P-93	中根	洋太郎	軟骨細胞の移動性と最近接細胞位置に関する研究
P-94	杉村	薫	上皮組織のかたちを決定する多階層ダイナミクスの定量解析
P-95	富田	太一郎	ストレス応答MAPK活性化の単一細胞計測により明らかになった動的フィードバック制御
P-96	石本	志高	シヨウジョウバエの翅形成力学モデル
P-97	吉田	純子	両アレル変異マウスES細胞のライブセルイメージング
P-98	尾関	光徳	4次元蛍光顕微鏡画像よりマウス胚核同定を行う半自動化ソフトウェアの実装
P-99	戸村	道夫	全身レベルの免疫細胞動態情報に基づく免疫システムの理解 —定量解析のためのflow cytometryデータの取得と公開データベースの構築